

SEQUENCE LISTING

<110> Cawthon, Richard

<120> METHODS OF PREDICTING MORTALITY RISK BY DETERMINING TELOMERE LENGTH

<130> A-71933

<140> US 10/543,111

<141> 2005-07-22

<150> PCT/US 2004/002215

<151> 2004-01-26

<150> US 60/442,456

<151> 2003-01-24

<160> 10

<170> PatentIn version 3.3

<210> 1

<211> 37

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> Synthetic

<400> 1

ggtttttgag ggtgaggggtg aggggtgaggg tgaggggt

37

<210> 2

<211> 39

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> Synthetic

<400> 2

tcccgactat ccctatccct atccctatcc ctatcccta

39

<210> 3

<211> 90

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<400> 3

ccctaaccct aaccctaacc ctaaccctaa ccctaaccct aaccctaacc ctaaccctaa

60

ccctaaccct aaccctaacc ctaaccctaa

90

<210> 4

<211> 90

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<400> 4
 ttagggttag ggtaggggtt agggtaggg ttagggttag ggtaggggtt agggtaggg 60
 ttagggttag ggtaggggtt agggtaggg 90

<210> 5
 <211> 6
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 5
 ttaggg 6

<210> 6
 <211> 39
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> Synthetic

<400> 6
 cggtttgttt gggtttgggt ttgggtttgg gtttgggtt 39

<210> 7
 <211> 39
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> Synthetic

<400> 7
 ggcttgcctt acccttacct ttacccttac ccttaccct 39

<210> 8
 <211> 23
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> Synthetic

<400> 8
 cagcaagtgg gaaggtgtaa tcc 23

<210> 9
 <211> 25
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> Synthetic

<400> 9

cccattctat catcaacggg tacaa

25

<210> 10

<211> 42

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> Synthetic

<400> 10

ttagggtag ggtaggggtt agggtaggg ttagggtag gg

42